

Laboratorium Genetyki Klinicznej

wykaz badań

Rodzaj badania		Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)
BADANIA PRENATALNE	badania biochemiczne	LGK_1_1_1	[NFZ] beta-HCG	Oznaczanie poziomu wolnej beta-HCG.	Oznaczenie poziomu wolnej beta-HCG w surowicy krwi obwodowej wykonywane metodą elektrochemiluminescencji przy zastosowaniu analizatora Cobas e411 (Roche Diagnostics).	79
		LGK_1_1_2	[NFZ] PAPP-A	Oznaczanie poziomu białka PAPP-A.	Oznaczenie poziomu białka PAPP-A w surowicy krwi obwodowej wykonywane metodą elektrochemiluminescencji przy zastosowaniu analizatora Cobas e411 (Roche Diagnostics).	95
	badania cytogenetyczne	LGK_1_2_1	[NFZ] Kariotyp - limfocyty	Analiza kariotypu limfocytów krwi płodowej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi płodowej z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	379
		LGK_1_2_2	[NFZ] Kariotyp - amniocyty	Analiza kariotypu amniocytów.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> amniocytów z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	730
		LGK_1_2_3	[NFZ] Kariotyp - FISH	Analiza kariotypu - badanie FISH z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Badanie uzupełniające analizę chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi płodowej lub amniocytów. Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej.	500
Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)	
GENETYKA KONSTYTUCYJNA	zaburzenia rozwojowe i niepełnosprawność intelektualna	LGK_2_1_1	[NFZ] Kariotyp - limfocyty	Analiza kariotypu limfocytów krwi obwodowej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi obwodowej z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	379
		LGK_2_1_2	[NFZ] Kariotyp - fibroblasty	Analiza kariotypu fibroblastów.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> fibroblastów z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	690
		LGK_2_1_3	[NFZ] Kariotyp - FISH	Analiza kariotypu - badanie FISH z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Badanie uzupełniające analizę chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi obwodowej lub fibroblastów. Analiza wybranego <i>locus</i> z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej.	500
		LGK_2_1_4	[NFZ] Kariotyp - aCGH	Analiza kariotypu limfocytów krwi obwodowej - badanie aCGH.	Analiza kariotypu z zastosowaniem techniki aCGH (porównawcza hybrydyzacja genomowa do mikromacierzy), rozdzielczość 60K.	1300

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)	
GENETYKA KONSTITUCYJNA	zaburzenia rozwojowe i niepełnosprawność intelektualna	LGK_2_2_1	[NFZ] Achondroplazja (<i>FGFR3</i>)	Achondroplazja (OMIM *134934).	Analiza w kierunku wariantu c.1138G>A (p.Gly380Arg) genu <i>FGFR3</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	369
		LGK_2_2_2	[NFZ] Zespół Angelmana (<i>MS-MLPA</i>)	Zespół Angelmana (OMIM #105830).	Test MS-MLPA w regionie 15q11-q13 (ME028, MRC-Holland). Analiza liczby kopii DNA oraz wzoru metylacji wysp CpG w regionie 15q11-q13.	650
		LGK_2_2_3	[NFZ] Hipochondroplazja (<i>FGFR3</i>)	Hipochondroplazja (OMIM *134934).	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>FGFR3</i> (p.Ile538; p.Asn540; p.Lys650) przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	369
		LGK_2_2_4	[MZ] Stwardnienie guzowate (<i>TSC1, TSC2</i>)	Stwardnienie guzowate (OMIM *605284, *191092). program lekowy - Eworolimus	Analiza sekwencji kodującej genów <i>TSC1</i> i <i>TSC2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera wraz z analizą liczby kopii DNA metodą MLPA (P124 i P046, MRC-Holland).	4950
		LGK_2_2_5	[NFZ] Zespół łamliwego chromosomu X (powtórzenia CGG)	Zespół łamliwego chromosomu X (FXS) (OMIM #300624).	Analiza regionu zawierającego powtórzenia CGG w genie <i>FMR1</i> pod kątem obecności premutacji/mutacji (zestaw AmpliEx FMR1 PCR, CE-IVD).	695
		LGK_2_2_6	[NFZ] Zespół Leopard (<i>PTPN11, RAF1</i>)	Zespół Leopard (OMIM #151100).	Analiza sekwencji eksonów 7, 12 i 13 genu <i>PTPN11</i> oraz eksonów 6, 13 i 16 genu <i>RAF1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	770
		LGK_2_2_7	[NFZ] Zespół Noonan (<i>PTPN11</i>)	Zespół Noonan (OMIM *176876).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>PTPN11</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1500
		LGK_2_2_8	[NFZ] Zespół Pradera-Williego (<i>MS-MLPA</i>)	Zespół Pradera-Williego (OMIM #176270).	Test MS-MLPA w regionie 15q11-q13 (ME028, MRC-Holland). Analiza liczby kopii DNA oraz wzoru metylacji wysp CpG w regionie 15q11-q13.	650
		LGK_2_2_9	[NFZ] Zespół Retta (<i>MECP2</i>)	Zespół Retta (OMIM *300005).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>MECP2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670
		LGK_2_2_10	[NFZ] Zespół Retta, congenital variant (<i>FOXG1</i>)	Zespół Retta, congenital variant (OMIM *164874).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>FOXG1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	770

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)	
	iności	LGK_3_1_1	[NFZ] Kariotyp - limfocyty	Analiza kariotypu limfocytów krwi obwodowej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> limfocytów krwi obwodowej z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	379

GENETYKA KONSTYTUCYJNA

zaburzenia płci	LGK_3_2_2	[NFZ] Przedwczesne wygasanie czynności jajników (powtórzenia CGG)	Przedwczesne wygasanie czynności jajników (FXPOF) (OMIM #311360).	Analiza regionu zawierającego powtórzenia CGG w genie <i>FMR1</i> pod kątem obecności premutacji/mutacji (zestaw AmpliDeX FMR1 PCR, CE-IVD).	695	
	LGK_3_2_3	[NFZ] Zespół BPES (<i>FOXL2</i>)	Zespół BPES (OMIM *605597).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>FOXL2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	580	
	zaburzenia metabolizmu	LGK_5_1	[NFZ] Amyloidoza transtyretynowa (<i>TTR</i>)	Amyloidoza transtyretynowa (OMIM *176300).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TTR</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670
		LGK_5_2	[NFZ] Deficyt alfa1-antytrypsyny (<i>SERPINA1</i>)	Deficyt alfa1-antytrypsyny (OMIM *107400).	Analiza w kierunku wariantów p.Glu366Lys (allel Z) oraz p.Glu288Val (allel S) genu <i>SERPINA1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	470
		LGK_5_3	[NFZ] Deficyt MCAD (<i>ACADM</i>)	Deficyt dehydrogenazy acylo-CoA średniołańcuchowych kwasów tłuszczowych - MCAD (OMIM *607008).	Analiza w kierunku wariantu p.Lys304Glu genu <i>ACADM</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370
		LGK_5_4	[NFZ] Deficyt LCHAD (<i>HADHA</i>)	Deficyt dehydrogenazy długołańcuchowych kwasów tłuszczowych - LCHAD (OMIM *600890).	Analiza w kierunku wariantu p.Glu510Gln genu <i>HADHA</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370
		LGK_5_5	[NFZ] Gorączka śródziemnomorska (<i>MEFV</i>)	Gorączka śródziemnomorska (OMIM *608107).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>MEFV</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1200
	nowotwory rodzinne i zespoły związane z nowotworami	LGK_6_1	[NFZ] Zespół Legius (<i>SPRED1</i>)	Zespół Legiusa (OMIM *609291).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>SPRED1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1300
		LGK_6_2	[NFZ] Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika (<i>BRCA1</i>)	Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika (OMIM #604370).	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>BRCA1</i> (c.68_69delAG, c.181T>G, c.3700_3704delGTAAA, c.4035delA, c.5266dupC) w polskiej populacji techniką HRM i weryfikowaną sekwencjonowaniem bezpośrednim metodą Sangera.	320
		LGK_6_3	[MZ] Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika (NGS)	Rodzinnie występujący rak piersi i/lub jajnika (OMIM #604370). Narodowy Program Zwalczenia Chorób Nowotworowych (Moduł I)	Analiza sekwencji kodującej genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (Multiplicom). Procedura diagnostyczna umożliwiła detekcję germinalnych wariantów punktowych oraz dużych rearanżacji.	2250
		LGK_6_4	[NFZ] Zespół Li-Fraumeni (<i>TP53</i>)	Zespół Li-Fraumeni (OMIM *191170).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>TP53</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1250

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)
	LGK_7_1	[NFZ] Dystrofia obręczowo - kończynowa (<i>CAPN3</i>)	Dystrofia obręczowo - kończynowa, LGMD2A (OMIM *114240).	Analiza w kierunku wariantu c.550delA (p.Thr184Argfs) genu <i>CAPN3</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370

GENETYKA KONSTITUCYJNA

neurogenetyka

LGK_7_2	[NFZ] łagodna płasawica rodzinna (<i>NKX2-1</i>)	łagodna płasawica rodzinna (OMIM *600635).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>NKX2-1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	580
LGK_7_3	[NFZ] Spastyczna paraplegia typ 4 (<i>SPAST</i>)	Spastyczna paraplegia typ 4 (OMIM *604277).	Analiza sekwencji eksonów 1, 6-7, 8, 10-12 genu <i>SPAST</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670
LGK_7_4	[NFZ] Spastyczna paraplegia typ 17 (<i>BSCL2</i>)	Spastyczna paraplegia typ 4 (OMIM *606158).	Analiza sekwencji eksonu 3 genu <i>BSCL2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	370
LGK_7_6	[NFZ] Stwardnienie zanikowe boczne (<i>SOD1</i>)	Stwardnienie zanikowe boczne (SLA) (OMIM *147450).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>SOD1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	770
LGK_7_7	[NFZ] Zespół ataksji i drżenia związanym z FXS (powtórzenia CGG)	Zespół ataksji i drżenia związanym z FXS (FXTAS)(OMIM #300623).	Analiza regionu zawierającego powtórzenia CGG w genie <i>FMR1</i> pod kątem obecności premutacji/mutacji (zestaw AmpliX FMR1 PCR, CE-IVD).	695
LGK_7_8	[NFZ] Zespół CADASIL (<i>NOTCH3</i>)	Zespół CADASIL (OMIM *600276).	Analiza sekwencji eksonów 2-6 genu <i>NOTCH3</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	470
LGK_9_1	[NFZ] Hipercholesterolemia rodzinna (<i>LDLR, APOB</i>)	Hipercholesterolemia rodzinna (OMIM #143890).	Analiza dużych rearanżacji techniką MLPA (zestaw P062, MRC-Holland) i analiza sekwencji eksonów 4 i 12 genu <i>LDLR</i> oraz fragmentu eksonu 26 (NM_000384.2: c.10436_10798) genu <i>APOB</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	900
LGK_9_2	[MZ] Hipercholesterolemia rodzinna (NGS)	Hipercholesterolemia rodzinna (OMIM #143890). Krajowe Centrum Hipercholesterolemii Rodzinnej	Analiza sekwencji kodującej genów <i>LDLR</i> (wraz z dużymi rearanżacjami), <i>PCSK9</i> , <i>APOE</i> oraz fragmentu eksonu 26 genu <i>APOB</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (zestaw ADH MASTR, Multiplicom).	2250
LGK_9_3	[NFZ] Hiperlipidemia typu III (<i>APOE</i>)	Hiperlipidemia typu III (OMIM *107741).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>APOE</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	670
LGK_9_4	[NFZ] Pierwotne zaburzenia czynności elektrycznej serca (NGS)	Pierwotne zaburzenia czynności elektrycznej serca.	Analiza sekwencji 51 genów techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (zestaw PED MASTR, Multiplicom). Procedura diagnostyczna umożliwia detekcję germinalnych wariantów punktowych.	3000

kardiologia

GENETYKA KONSTITUCYJNA

nefrologia

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Pełna nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)
	LGK_10_1	[NFZ] Steroidooporny zespół nerczycowy o późnym początku (<i>INF2, LMX1B</i>)	Steroidooporny zespół nerczycowy o późnym początku (OMIM #613237).	Analiza sekwencji eksonów 2-4 genu <i>INF2</i> oraz eksonu 4 genu <i>LMX1B</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	790
	LGK_10_2	[NFZ] Zespół Denys-Drash, zespół Frasiera (<i>WT1</i>)	Zespół Denys-Drash, zespół Frasiera (OMIM *607102).	Analiza sekwencji eksonów 8 i 9 genu <i>WT1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	470

GENE KONSTYT		LGK_10_3	[NFZ] Zespół nerczycowy (<i>NPHS2, WT1</i>)	Zespół nerczycowy (OMIM #600995, #256370).	Analiza sekwencji kodującej genu <i>NPHS2</i> oraz eksonów 8 i 9 genu <i>WT1</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	1200
	ortopedia	LGK_11_1	[NFZ] Zespół Hajdu-Cheney (<i>NOTCH2</i>)	Zespół Hajdu-Cheney (OMIM *600275).	Analiza sekwencji eksonu 34 genu <i>NOTCH2</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	580

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)
----------------	-------------	--------------------------	---------------	--------------	----------------

GENETYKA MOLEKULARNA	izolacja kwasów nukleinowych i analiza kosegregacji	LGK_14_2	[NFZ] Hipercholesterolemia rodzinna (krewni)	Hipercholesterolemia rodzinna (OMIM #143890). Analiza wariantu występującego w rodzinie.	W zależności od rodzaju wariantu badanie wykonywane jest techniką MLPA lub przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera. Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	360,00
		LGK_14_3	[NFZ] Wariant (Sanger)	Analiza wariantu punktowego występującego w rodzinie.	Analiza w kierunku wariantu występującego w rodzinie przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera (dotyczy procedur LGK). Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	370
		LGK_14_4	[NFZ] Wariant (MLPA)	Analiza dużej delecji/duplikacji występującej w rodzinie.	Analiza w kierunku wariantu występującego w rodzinie przy użyciu techniki MLPA (dotyczy procedur LGK). Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	860
		LGK_14_5	[NFZ] Wariant (po uzgodnieniu)	Analiza sekwencji wybranych <i>loci</i> przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	Badanie wykonywane po uzgodnieniu szczegółów z Laboratorium Genetyki Klinicznej UCK. Wymagany zapis wariantu na poziomie cDNA i białka wraz z sekwencją referencyjną lub kopia wyniku probanta.	780
		LGK_14_1	Izolacja DNA (krew, szpik)	Izolacja gDNA z krwi obwodowej lub szpiku.	Izolacja genomowego DNA z krwi obwodowej lub szpiku.	150
		LGK_14_6	Izolacja DNA (FFPE)	Izolacja gDNA z tkanki utrwalonej w formalinie i zatopionej w parafinie (FFPE).	Izolacja genomowego DNA z tkanki utrwalonej w formalinie i zatopionej w parafinie (FFPE).	150
		LGK_14_7	Izolacja DNA (amniocyty)	Izolacja genomowego gDNA z krwi amniocytów.	Izolacja genomowego DNA z krwi amniocytów.	150
		LGK_14_8	Izolacja ctDNA/cfDNA (krew)	Izolacja ctDNA lub cfDNA z krwi obwodowej.	Izolacja krążącego ctDNA (<i>cell-free circulating tumor DNA</i>) lub cfDNA (<i>cell-free circulating fetus DNA</i>) z krwi obwodowej.	300

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)
	LGK_20_1_1	[NFZ] Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (kariotyp)	Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	560

ONKOGENETYKA

hematologia

LGK_20_2_2	[NFZ] Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (chimeryzm)	Ocena chimeryzmu poprzesczepowego metodą FISH.	Analiza obecności sekwencji centromerowych chromosomów X i Y w ocenie chimeryzmu poprzesczepowego metodą FISH.	520
LGK_20_2_3	[NFZ] Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (FISH)	Analiza FISH komórek nowotworowych z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej będącej w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	520
LGK_20_2_4	[NFZ] Chłoniaki nieziarnicze, FFPE (<i>IGH/MYC</i>)	Analiza rearanżacji genów <i>IGH/MYC</i> , t(8;14)(q24;q32), metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
LGK_20_2_5	[NFZ] Chłoniaki nieziarnicze, FFPE (<i>MYC, BCL2, BCL6</i>)	Analiza rearanżacji genów <i>MYC</i> (8q24), <i>BCL2</i> (18q21), <i>BCL6</i> (3q27) metodą FISH.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu trzech sond specyficznych. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	1450
LGK_20_2_6	[NFZ] Chłoniaki nieziarnicze, FFPE (<i>MYC</i>)	Analiza rearanżacji genu <i>MYC</i> (8q24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
LGK_20_3_1	[NFZ] Mastocytoza (<i>KIT</i>)	Analiza wariantu p.D816V genu <i>KIT</i> .	Analiza w kierunku wariantu p.D816V genu <i>KIT</i> metodą RT-PCR.	490
LGK_40_1_1	[NFZ] Guzy łe (kariotyp)	Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	615
LGK_40_2_1	[NFZ] Glejak, FFPE (1p/19q)	Analiza kodelecji 1p / 19q metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	730
LGK_40_2_2	[NFZ] Neuroblastoma (<i>MYCN</i>)	Analiza amplifikacji <i>MYCN</i> (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: preparat odciskowy fragmentu guza.	480
LGK_40_2_3	[NFZ] Neuroblastoma, FFPE (<i>MYCN</i>)	Analiza amplifikacji <i>MYCN</i> (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	560

guzy łe

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)
	LGK_40_2_4	[NFZ] Niedrobnokomórkowy rak płuca, FFPE (<i>ALK</i>)	Analiza rearanżacji genu <i>ALK</i> (2p23) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	570

ONKOGENETYKA

guzy lite

LGK_40_2_5	[NFZ] <i>Myxoid/round cell liposarcoma</i> , FFPE (<i>DDIT3</i>)	Analiza rearanżacji genu <i>DDIT3</i> (CHOP) (12q13) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
LGK_40_2_6	[NFZ] <i>PNET</i> , FFPE (<i>EWSR1</i>)	Analiza rearanżacji genu <i>EWSR1</i> (22q12) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
LGK_40_2_7	[NFZ] Rak piersi, rak żołądka, FFPE (<i>HER2</i>)	Analiza amplifikacji <i>ERBB2</i> (HER2) (17q12) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	740
LGK_40_2_8	[NFZ] <i>Synovial sarcoma</i> , FFPE (<i>SYT</i>)	Analiza rearanżacji genu <i>SS18</i> (SYT) (18q11) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
LGK_40_3_1	[NFZ] Czerniak złośliwy, rak jelita grubego (<i>BRAF</i>)	Analiza wariantu w kodonie V600 genu <i>BRAF</i> .	Analiza w kierunku wariantów w kodonie V600 genu <i>BRAF</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genu <i>BRAF</i> obejmuje warianty: p.V600D oraz p.V600K.	580
LGK_40_3_2	[NFZ] GIST (<i>KIT</i> , <i>PDGFRA</i>)	Analiza sekwencji wybranych eksonów genu <i>KIT</i> oraz <i>PDGFRA</i> .	Analiza sekwencji eksonów 9,11,13 i/lub 17 genu <i>KIT</i> oraz eksonów 12, 14 i/lub 18 genu <i>PDGFRA</i> w DNA komórek nowotworowych przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera.	615
LGK_40_3_3	[NFZ] Niedrobnokomórkowy rak płuca (<i>EGFR</i>)	Analiza najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> .	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu <i>EGFR</i> .	750
LGK_40_3_4	[MZ] Niedrobnokomórkowy rak płuca, ctDNA (<i>EGFR</i>)	Analiza najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> (ctDNA). program lekowy - Ozymertynib EORTC 1613 - APPLE	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> w ctDNA metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu <i>EGFR</i> .	1500
LGK_40_3_5	[NFZ] Neuroblastoma (<i>ALK</i>)	Analiza sekwencji wybranych eksonów genu <i>ALK</i> .	Analiza sekwencji eksonów 23, 25 genu <i>ALK</i> w DNA komórek nowotworowych przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera. Badany region genu <i>ALK</i> obejmuje m.in. warianty p.L1152R, p.F1174V, p.F1245C, p.L1196M, p.G1202R.	540
LGK_40_3_6	[NFZ] Rak jelita grubego (<i>KRAS</i> , <i>NRAS</i>)	Analiza najczęstszych wariantów genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> .	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genu <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> obejmuje warianty w kodonach: p.G12, p.G13, p.A59, p.Q61, p.K117, p.A146.	530

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)
	LGK_30_1_1	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (kariotyp)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	560

LGK_30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego (FISH)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza FISH komórek nowotworowych z zastosowaniem jednej sondy specyficznej.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej będącej w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	520
LGK_30_2_4	Chłoniaki nieziarnicze, FFPE (IGH/MYC)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza rearanżacji genów IGH/MYC, t(8;14)(q24;q32), metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
LGK_30_2_5	Chłoniaki nieziarnicze, FFPE (MYC, BCL2, BCL6)	Złożone badanie genetyczne Analiza rearanżacji genów MYC (8q24), BCL2 (18q21), BCL6 (3q27) metodą FISH.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu trzech sond specyficznych. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	1450
LGK_30_2_6	Chłoniaki nieziarnicze, FFPE (MYC)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza rearanżacji genu MYC (8q24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	585
LGK 30.1.1 plus 1x LGK 30_2_3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	Złożone badanie genetyczne Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 1 sondy specyficznej.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli in vitro komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 1 sondy specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1080
LGK 30.1.1 plus 2x LGK 30.2.3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	Złożone badanie genetyczne Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 2 sond specyficznych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli in vitro komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 2 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1400
2x LGK 30.2.3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	Złożone badanie genetyczne Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 2 sond specyficznych.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 2 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1040
3x LGK 30.2.3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	Złożone badanie genetyczne Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 3 sond specyficznych.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 3 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1300
LGK 30.1.1 plus 3x LGK 30.2.3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	Zaawansowane badanie genetyczne Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 3 sond specyficznych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli in vitro komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 3 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2050

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)
	LGK 30.1.1 plus 4x LGK 30.2.3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	Zaawansowane badanie genetyczne Analiza kariotypu komórek nowotworowych z równoległą analizą FISH z użyciem 4 sond specyficznych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli in vitro komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW wraz z analizą wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 4 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny do badania FISH: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2250
	4x LGK 30.2.3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	Zaawansowane badanie genetyczne Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 4 sond specyficznych.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 4 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	1990
	5x LGK 30.2.3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	Zaawansowane badanie genetyczne Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 5 sond specyficznych.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 5 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2210

guzy lite	6x LGK 30.2.3	Choroby rozrostowe układu krwiotwórczego	Zaawansowane badanie genetyczne Analiza FISH komórek nowotworowych z użyciem 6 sond specyficznych.	Analiza wybranych loci z zastosowaniem metody FISH przy użyciu 6 sond specyficznych będących w ofercie Laboratorium.* Materiał analityczny: rozmaz krwi lub szpiku kostnego.	2650
	LGK_50_1_1	Guzy lite (kariotyp)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza kariotypu komórek nowotworowych.	Analiza chromosomów metafazalnych uzyskanych z hodowli <i>in vitro</i> komórek nowotworowych z zastosowaniem metody prążkowej GTW.	615
	LGK_50_2_1	Glejak, FFPE (1p/19q)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza kodelecji 1p/19q metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	730
	LGK_50_2_2	Neuroblastoma (MYCN)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza amplifikacji MYCN (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: preparat odciskowy fragmentu guza.	480
	LGK_50_2_3	Neuroblastoma, FFPE (MYCN)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza amplifikacji MYCN (2p24) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	560
	LGK_50_2_4	Niedrobnokomórkowy rak płuca, FFPE (ALK)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza rearanżacji genu ALK (2p23) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	570
	LGK_50_2_5	Myxoid/round cell liposarcoma, FFPE (DDIT3)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza rearanżacji DDIT3 (CHOP) (12q13) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
	LGK_50_2_6	PNET, FFPE (EWSR1)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza rearanżacji EWSR1 (22q12) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
	LGK_50_2_7	Rak piersi, rak żołądka, FFPE (HER2)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza amplifikacji ERBB2 (HER2) (17q12) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	740

Rodzaj badania	Kod badania	Nazwa badania - CliniNet	Nazwa badania	Opis badania	Cena zew. (zł)
NFZ	LGK_50_2_8	Synovial sarcoma, FFPE (SYT)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza rearanżacji SS18 (SYT) (18q11) metodą FISH.	Analiza wybranego locus z zastosowaniem metody FISH przy użyciu jednej sondy specyficznej. Materiał analityczny: tkanka nowotworowa utrwalona w formalinie i zatopiona w parafinie (FFPE).	595
	LGK_50_3_1	Czerniak złośliwy, rak jelita grubego (BRAF)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza wariantu w kodonie V600 genu BRAF.	Analiza w kierunku wariantów w kodonie V600 genu BRAF w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genu BRAF obejmuje warianty: p.V600D oraz p.V600K.	580
	LGK_50_3_2	GIST (KIT, PDGFRA)	Złożone badanie genetyczne Analiza sekwencji wybranych eksonów genu KIT oraz PDGFRA.	Analiza sekwencji eksonów 9,11,13 i/lub 17 genu KIT oraz eksonów 12, 14 i/lub 18 genu PDGFRA w DNA komórek nowotworowych przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sanger.	615

LGK_50_3_3	Niedrobnokomórkowy rak płuca (<i>EGFR</i>)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> .	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu <i>EGFR</i> .	750
LGK_50_3_4	Niedrobnokomórkowy rak płuca, ctDNA (<i>EGFR</i>)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> (ctDNA).	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genu <i>EGFR</i> w ctDNA metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region obejmuje 42 wybrane warianty w eksonach 18, 19, 20 i 21 genu <i>EGFR</i> .	1500
LGK_50_3_5	Neuroblastoma (<i>ALK</i>)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza sekwencji wybranych eksonów genu <i>ALK</i> .	Analiza sekwencji eksonów 23, 25 genu <i>ALK</i> w DNA komórek nowotworowych przy użyciu sekwencjonowania bezpośredniego metodą Sangera. Badany region genu <i>ALK</i> obejmuje m.in. warianty p.L1152R, p.F1174V, p.F1245C, p.L1196M, p.G1202R.	540
LGK_50_3_6	Rak jelita grubego (<i>KRAS</i> , <i>NRAS</i>)	Podstawowe badanie genetyczne Analiza najczęstszych wariantów genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> .	Analiza w kierunku najczęstszych wariantów genów <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> w DNA komórek nowotworowych metodą RT-PCR (CE-IVD). Badany region genu <i>KRAS</i> i <i>NRAS</i> obejmuje warianty w kodonach: p.G12, p.G13, p.A59, p.Q61, p.K117, p.A146.	530
LGK_50_3_7	Rak piersi i/lub jajnika (NGS, germinalne)	Zaawansowane badanie genetyczne Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> (warianty germinalne).	Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (zestaw BRCA MASTR, Multiplicom). Procedura diagnostyczna umożliwia detekcję germinalnych wariantów punktowych oraz dużych rearanżacji.	2250
LGK_50_3_8	Rak piersi i/lub jajnika (NGS, somatyczne)	Zaawansowane badanie genetyczne Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> (warianty somatyczne).	Analiza sekwencji genów <i>BRCA1</i> i <i>BRCA2</i> w DNA komórek nowotworowych techniką sekwencjonowania nowej generacji (NGS) (zestaw BRCA MASTR, Multiplicom). Procedura diagnostyczna umożliwia detekcję somatycznych wariantów punktowych.	2300

* lista sond do techniki FISH dostępna w LGK